



EVROPSKÁ UNIE
Evropské strukturální a investiční fondy
Operační program Výzkum, vývoj a vzdělávání



Bc. Lena Mikušová / +420 545 135 251, +420 778 468 989
V Brně / In Brno - 9. 11. 2021

Veřejná zakázka / Public contract

**RNA sekvenování za použití "Next-Generation Sequencing" Illumina
technologie a analýzy délky fragmentů za použití kapilární elektroforézy -
rozděleno na části**

/

**RNA sequencing using Next-Generation Sequencing Illumina technology and
Fragment Length Analysis by Capillary Electrophoresis - divided into parts**

**Vysvětlení zadávací dokumentace č. 3 /
Explanation of the tender dossier No. 3**

Zadavatel poskytuje vysvětlení zadávací dokumentace na základě dotazů vnesených dodavatelem. Formulace dotazů dodavatele v anglickém jazyce je doslovně převzata.

Contracting authority provides Explanation of the tender dossier on the basis of a request by the supplier. The wording of the supplier's questions in English is taken literally.



CZ:

Vysvětlení zadávací dokumentace v českém jazyce - Explanation of the tender dossier in Czech language (English language part see bellow):

Zadavatel obdržel dne 4. 11. 2021 žádost o vysvětlení zadávací dokumentace v tomto znění

Dotaz č. 1:

„Is it accepted to offer the use of QIAseq FastSelect –rRNA Plant Kit instead of the custom provided oligos for the ribo-depletion?“

Dotaz č. 1 - překlad:

„Je přijatelné použití kytu QIAseq FastSelect –rRNA Plant Kit místo specifických sond použitých pro rRNA depleci?“

Odpověď zadavatele č. 1:

Požadujeme použití „custom-designed“ sond společně s kitem, který funguje na principu degradace RNase H enzymem. Kity založené na degradaci rRNA RNase H enzymem poskytují dobré a vyrovnané výsledky i pro RNA vzorky o nízké kvalitě¹. Dále, předpokládáme, že „custom-designed“ sondy budou vysoce účinné pro pokrytí rRNA vzorků dubů.

Dotaz č. 2:

„data per sample - will a flexible offer with data per individual sample be considered beneficial? The researcher will have the safety to achieve a plannable and guaranteed amount of data per individual sample and the benefit of the flexibility to send individual samples with any batch size at any time. Constant quality of the data without any batch effects have a long track record, proven in 10.000s of samples.“

Dotaz č. 2 - překlad:

„Data za jednotlivé vzorky – bude nabídka flexibilního množství vzorků brána jako výhodná? Výzkumníci budou mít zaručeno dosažení předpokládaného množství dat z jednotlivého vzorku a budou mít benefit ve flexibilitě zasílání jednotlivých vzorků

¹ Herbert, Z.T., Kershner, J.P., Butty, V.L. et al. Cross-site comparison of ribosomal depletion kits for Illumina RNAseq library construction. BMC Genomics 19, 199 (2018). <https://doi.org/10.1186/s12864-018-4585-1>



EVROPSKÁ UNIE
Evropské strukturální a investiční fondy
Operační program Výzkum, vývoj a vzdělávání



kdykoliv v jakémkoliv množství. Konstantní kvalita získaných dat bez vlivu na zásilce vzorků máme dlouhodobě doloženou na 10.000 vzorcích.“

Odpověď zadavatele č. 2:

Vzhledem k tomu, že je nutné porovnat jednotlivé cenové nabídky, žádáme vás o uvedení ceny pro uvedené množství RNA vzorků, tak jak je stanoveno v zadávací dokumentaci. Cena za RNA vzorek může být v důsledku snadno vyčíslena.

Dotaz č. 3:

„Can we replace the service with full lanes on S1 or S4 with the corresponding data amounts, with the above named benefits for the researcher? Especially this is crucial for the S1.“

Dotaz č. 3 - překlad:

„Můžeme nahradit sekvenační službu s celou „lane“ v S1 a S4 při zachování odpovídajícího množství dat, s benefity pro výzkumníky zmíněnými výše. Toto je klíčové zejména u S1 reagentů.“

Odpověď zadavatele č. 3:

Sekvenační chemie může být pochopitelně změněna, pokud to nemá negativní vliv na kvalitu dat nebo jejich variabilitu mezi jednotlivými zásilkami vzorků. Typ sekvenační chemie byl uveden pouze jako orientační pro uvedené množství vzorků (vzhledem k tomu, že chceme charakterizovat také transkripty, které jsou v malém množství, očekáváme vysoké pokrytí). Samozřejmě tedy S4 reagentie mohou být použity i pro 24 vzorků. Zadavatel v souladu s tímto vysvětlením zveřejňuje jako přílohu tohoto vysvětlení aktualizovanou Přílohu č. 2a - Kalkulace nabídkové ceny pro část 1 VZ.

EN:

Vysvětlení zadávací dokumentace v anglickém jazyce - Explanation of the tender dossier in English language:

On the 4. 11. 2021 the contracting authority received this request for the explanation of the tender dossier:



Question No. 1:

„Is it accepted to offer the use of QIAseq FastSelect –rRNA Plant Kit instead of the custom provided oligos for the ribo-depletion?“

Answer No. 1:

We require to use a custom designed probes together with a kit relying on a RNase H digestion. RNase H digestion-based kits provide good and consistent results also for low quality RNA samples². Further, it is expected that custom designed probes will be highly efficient to cover rRNA of *Quercus* samples.

Question No. 2:

„data per sample - will a flexible offer with data per individual sample be considered beneficial? The researcher will have the safety to achieve a plannable and guaranteed amount of data per individual sample and the benefit of the flexibility to send individual samples with any batch size at any time. Constant quality of the data without any batch effects have a long track record, proven in 10.000s of samples.“

Answer No. 2:

Since we need a comparison of individual quotes, we kindly ask you to provide the prices for indicated number of RNA samples as specified. Consequently, price per RNA sample can be estimated easily.

Question No. 3:

„Can we replace the service with full lanes on S1 or S4 with the corresponding data amounts, with the above named benefits for the researcher? Especially this is crucial for the S1.“

Answer No. 3:

The sequencing chemistry can be of course changed if there is no negative impact on the quality data or their batch-batch variation. Type of sequencing chemistry was indicated to provide an estimate for given number of samples (since it is necessary also to identify low abundant transcript variants, we expect high coverage). Obviously, S4 reagents can also be used for 24 samples. In accordance with this explanation, the

² Herbert, Z.T., Kershner, J.P., Butty, V.L. et al. Cross-site comparison of ribosomal depletion kits for Illumina RNAseq library construction. BMC Genomics 19, 199 (2018). <https://doi.org/10.1186/s12864-018-4585-1>



EVROPSKÁ UNIE
Evropské strukturální a investiční fondy
Operační program Výzkum, vývoj a vzdělávání



Contracting Authority publishes as an appendix to this explanation the updated Appendix No. 2a - Calculation of the bid price for part 1 of the PC.

CZ: V souvislosti s tím, že dotazy a jejich zodpovězení doplňují parametry předmětu plnění veřejné zakázky v příloze č. 2a – Kalkulace nabídkové ceny pro část 1 VZ, konstatuje zadavatel, že v souvislosti s uveřejněním vysvětlení zadávací dokumentace „Vysvětlení zadávací dokumentace_č.3_Explanation of the tender dossier No.3“ prodlužuje lhůtu pro podání a otevírání nabídek a ta bude nově stanovena na: **13. 12. 2021, 10:00 hod.**

The deadline for submitting bids ends on: 13. 12. 2021 at 10:00 a.m.

EN: In connection with the fact that the questions and their explanation supplement the parameters of the subject of the public contract in Appendix No. 2a - Calculation of the bid price for part 1 of the PC, the contracting authority states that in connection with the publication of the explanation dossier No.3“ extends the deadline for submission and opening of bids and it will be newly set at: 13. 12. 2021, 10:00

The deadline for submitting bids ends on: 13. 12. 2021 at 10:00 a.m.

Příloha vysvětlení zadávací dokumentace č. 3:

- Příloha č. 2a - Kalkulace nabídkové ceny pro část 1 VZ - aktualizovaná

Appendix of the Explanation of the tender dossier No.3:

- Appendix No. 2a - Calculation of the bid price for part 1 of the PC - updated

.....
Bc. Lena Mikušová, referent oddělení veřejných zakázek
rektorát, Mendelova univerzita v Brně
na základě plné moci ze dne 19. 6. 2017